**Atelier d'analyse de séquençage de l'ARN**

Dates de l’atelier : du 9 au 11 juin 2021

Lieu : en ligne

Veuillez remplir toutes les sections ci-dessous et retourner le formulaire à [rcadwalader@stemcellnetwork.ca](mailto:rcadwalader@stemcellnetwork.ca) au plus tard le **jeudi 13 mai 2021**.

Remarque : le nombre de participants à cet atelier est limité. Tous ceux qui souhaitent y participer doivent s'inscrire en remplissant le présent formulaire. Les candidats retenus seront invités à participer et de l’information détaillée sur le processus d’inscription à l'atelier sera alors fournie. Veuillez indiquer ci-dessous le ou les réseaux de stagiaires auxquels vous êtes associé. Remarque : des frais de 500 $ seront facturés aux superviseurs des demandeurs qui n’auront pas réussi à participer à toutes les séances ou à terminer tout le contenu de l’événement de formation – voir les notes pour de plus amples informations à ce sujet.

|  |  |
| --- | --- |
| **RENSEIGNEMENTS SUR LE CANDIDAT** | |
| Nom de famille : | Prénoms : |
| Sexe :  Femme  Homme  Aucun /non-binaire | |
| Identité autochtone?\*  Oui  Non | |
| Personne handicapée?\*\*  Oui  Non | |
| Membre d'une minorité visible?  Oui  Non | |
| Citoyenneté :  Canadienne (y compris les résidents permanents)  Internationale | |
| Affiliations (cochez toutes les réponses applicables) :  Stagiaire RCS  Aucun | |
| Poste et année d'étude :  *(étudiant à la maîtrise, étudiant au doctorat, boursier postdoctoral, associé de recherche, techniciens de recherche) :* | Nom de l'établissement et ville : |
| Numéro de téléphone : | Adresse électronique : |
| Souhaitez-vous participer à la troisième journée facultative pour analyser votre propre ensemble de données?  Oui  Non  Si oui, veuillez répondre aux questions supplémentaires sur la candidature à la section **G** ci-dessous. | |
| **RENSEIGNEMENTS SUR LE SUPERVISEUR** | |
| Nom de famille : | Prénoms : |
| Numéro de téléphone : | Adresse électronique : |

Veuillez fournir les renseignements suivants :

* 1. Donnez un aperçu de vos recherches actuelles (maximum de 1 page).
  2. Décrivez votre expérience des technologies génomiques, protéomiques ou autres technologies « ‑omiques », en particulier de la transcriptomique (maximum de 1/2 page).
  3. Donnez des détails précis sur la façon dont votre participation à cet atelier fera progresser votre projet de recherche. Par exemple, décrivez les difficultés que vous rencontrez pour l’acquisition, l’analyse et l’interprétation de votre ensemble de données de séquençage de l’ARN (maximum de 1 page).
  4. Décrivez vos plans pour transmettre les informations apprises lors de cet atelier à d'autres personnes de votre laboratoire ou de votre établissement (maximum de 1/2 page).
  5. Fournissez votre CV.
  6. Fournissez une lettre de soutien de votre superviseur actuel (un courriel suffit) qui explique les avantages liés à votre participation à cet atelier pour votre formation et votre laboratoire.

Les lettres doivent être envoyées directement par courrier électronique à [rcadwalader@stemcellnetwork.ca](mailto:rcadwalader@stemcellnetwork.ca) avant la date limite du **jeudi 13 mai 2021**.

* 1. Lors du segment tutoriel facultatif de l'atelier d'analyse de séquençage de l’ARN (11 juin), un nombre limité d'étudiants recevra de l’aide pour analyser leurs propres données. Si vous souhaitez que votre participation à la portion la troisième journée soit prise en considération, veuillez répondre aux questions suivantes : (maximum de 2 pages).
* Décrivez brièvement votre projet expérimental (maximum de 1/2 page).
* Quelle est l'espèce?
* Combien d’échantillons avez-vous?
* Existe-t-il des répliques biologiques et/ou techniques? Si oui, combien?
* Quelle plate-forme de séquençage a été utilisée (par exemple, Illumina)?
* Quel est le format de fichier des données (par exemple, FASTQ, BAM)?
* Quelle est la longueur de lecture?
* Les lectures sont-elles simples ou appariées?
* À quelle (s) question (s) espérez-vous répondre avec cette analyse de données? Avez-vous une hypothèse précise à tester?

Remarque : si vous disposez de données de séquençage de patients humains qui ne sont pas encore accessibles au public pour analyse, nous devons déterminer si nous disposons des mesures de sauvegarde requises pour les informations personnelles sur la santé qui permettent de garantir la confidentialité. Si cela s’applique à vos données et que vous avez des questions, veuillez communiquer directement avec nous.

Remarques

Le nombre de places est limité pour cette importante possibilité de formation. Le RCS couvrira les frais d’inscription (payés directement aux organisateurs) à cet événement pour les demandeurs qui auront participé à toutes les séances et qui auront terminé tous les éléments du contenu en ligne de cet événement de formation au cours de la période prescrite. **Dans le cas des participants qui n’auront pas réussi à participer à toutes les séances ou à terminer tout le contenu, des frais de 500 $ seront exigés** à leur superviseur pour couvrir les coûts associés à la prestation de cet événement de formation.

\* Le terme « autochtone » s’applique à une Première Nation (Indien de l’Amérique du Nord), Métis ou Inuk (Inuit).

\*\* Une personne handicapée est une personne qui a une déficience physique, mentale, sensorielle, psychiatrique ou d’apprentissage durable ou récurrente et :

* qui se considère désavantagée par rapport à l’emploi en raison de cette déficience, ou
* qui pense qu'un employeur ou un employeur potentiel est susceptible de considérer qu'elle est désavantagée par rapport à l’emploi en raison de cette déficience, et
* cela comprend les personnes dont les limitations fonctionnelles dues à leur déficience peuvent avoir fait l’objet de mesures d’adaptation à leur emploi ou lieu de travail actuel.